

FULL TEXT LINKS



> [Nature](#). 1994 Sep 1;371(6492):37-43. doi: 10.1038/371037a0.

Structure of influenza haemagglutinin at the pH of membrane fusion

P A Bullough ¹, F M Hughson, J J Skehel, D C Wiley

Affiliations

PMID: 8072525 DOI: [10.1038/371037a0](#)

Abstract

Low pH induces a conformational change in the influenza virus haemagglutinin, which then mediates fusion of the viral and host cell membranes. The three-dimensional structure of a fragment of the haemagglutinin in this conformation reveals a major refolding of the secondary and tertiary structure of the molecule. The apolar fusion peptide moves at least 100 Å to one tip of the molecule. At the other end a helical segment unfolds, a subdomain relocates reversing the chain direction, and part of the structure becomes disordered.

Comment in

[Virus structure. Docking mission accomplished.](#)

Stuart D.

Nature. 1994 Sep 1;371(6492):19-20. doi: 10.1038/371019a0.

PMID: 8072518 No abstract available.

Related information

[Cited in Books](#)

[MedGen](#)

[Protein](#)

[Structure](#)

[Taxonomy via GenBank](#)

Niedrige pH-Werte führen zu einer Konformationsänderung des Hämagglutinins des Influenzavirus, das dann die Fusion von Virus- und Wirtszellmembranen vermittelt. Die dreidimensionale Struktur eines Fragments des Hämagglutinins in dieser Konformation zeigt eine erhebliche Rückfaltung der Sekundär- und Tertiärstruktur des Moleküls. Das apolare Fusionspeptid bewegt sich um mindestens 100 Å zu einer Spitze des Moleküls. Am anderen Ende entfaltet sich ein helikales Segment, eine Subdomäne verlagert sich in umgekehrter Kettenrichtung, und ein Teil der Struktur wird ungeordnet.

LinkOut – more resources

Full Text Sources

[Nature Publishing Group](#)

Other Literature Sources

[The Lens - Patent Citations](#)